



Wie schnell können sich grosse dsDNA-Viren an ihren Algenwirt anpassen?

22. Februar 2022 |

Die Evolution von Chloroviren ist durch starke Selektion und ein hohes Maß an Mutation gekennzeichnet

Wir untersuchten die evolutionären Veränderungen von *Paramecium bursaria chlorella virus 1* während der experimentellen Koevolution mit seinem Algenwirt in sechs experimentellen Wiederholungen und fanden Nukleotid-Polymorphismen (SNPs) an siebenundsechzig Stellen. Das Auftreten genetischer Varianten war in hohem Maße wiederholbar, und drei Gene wiesen ein Übermass an variablen Stellen auf, was neue Informationen über potenzielle Selektionsziele während der Koevolution von *Chlorella-Chlorovirus* liefert. Unsere Daten deuten darauf hin, dass die untersuchten Populationen nicht mutationsbegrenzt waren und einer starken positiven Selektion unterlagen, und zeigen damit relevante Prozesse auf, die die Evolution aquatischer großer dsDNA-Viren bestimmen.

Links

Publikation - Strong selection and high mutation supply characterize experimental Chlorovirus evolution

Kontakt



Philine Feulner

Tel. +41 58 765 2106

philine.feulner@eawag.ch

<https://www.eawag.ch/de/info/portal/aktuelles/newsarchiv/archiv-detail/wie-schnell-koennen-sich-grosse-dsdna-viren-an-ihren-algenwirt-anpassen>