



À quelle vitesse les grands virus aquatiques à ADNdb peuvent-ils s'adapter à leur hôte ?

22 février 2022 |

L'évolution expérimentale du chlorovirus est caractérisée par une forte sélection et un niveau élevé de mutations

Nous avons étudié l'évolution de *Paramecium bursaria chlorella virus 1* au cours de sa coévolution avec son hôte, une algue unicellulaire, à l'aide de 6 répliques expérimentaux. Nous avons détecté que cette coévolution a donné lieu à 67 substitutions nucléotidiques (SNP) dans le génome viral. L'apparition de ces mutations était hautement répétable entre les répliques expérimentales, et trois gènes présentaient un excès de variation génétique. Ces résultats fournissent de nouvelles informations sur les potentielles cibles de sélection pendant la coévolution chlorella-chlorovirus. Nos données indiquent que l'évolution du virus n'a pas été limitée par la quantité de mutations présentes dans la population, et que certaines de ces mutations ont connu une forte sélection positive, révélant ainsi les processus qui déterminent l'évolution des grands virus aquatiques à ADNdb.

Links

Publikation - Strong selection and high mutation supply characterize experimental Chlorovirus evolution

Contact



Philine Feulner

Tel. +41 58 765 2106

philine.feulner@eawag.ch

<https://www.eawag.ch/fr/portail/dinfo/actualites/news-archives/detail-de-larchive/a-quelle-vitesse-les-grands-virus-aquatiques-a-adndb-peuvent-ils-sadapter-a-leur-hote>