



Un système d'alarme précoce pour les stations d'épuration

7 septembre 2023 | Claudia Carle

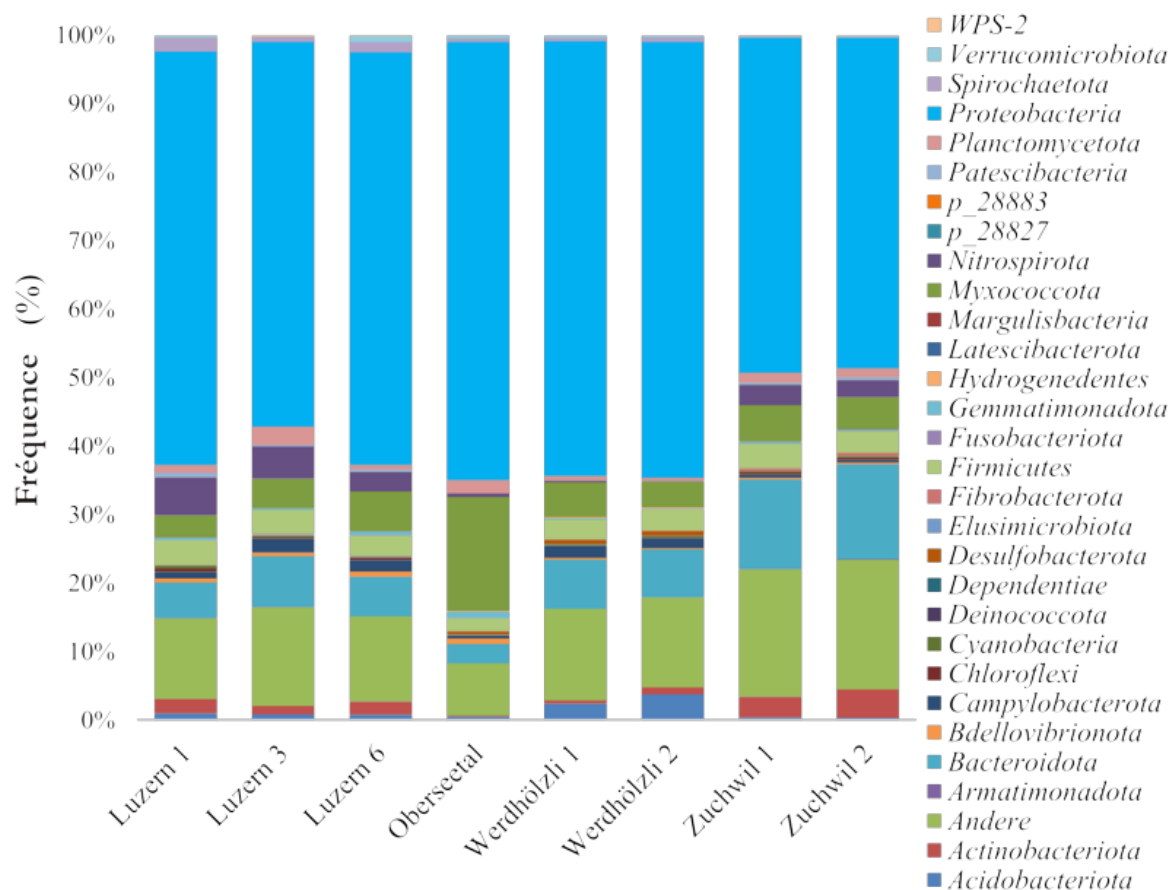
Catégories: Eaux usées

À l'étape du traitement biologique des stations d'épuration, les bactéries dégradent les nutriments dans les eaux usées. Cependant, la composition de cette communauté bactérienne peut changer défavorablement et entraver notamment la qualité du traitement de la station d'épuration. Grâce à de nouveaux appareils, les chercheuses et chercheurs de l'Eawag peuvent constater rapidement et sur place de tels changements au moyen d'une analyse ADN, permettant ensuite de prendre les contre-mesures qui s'imposent.

Dans les stations d'épuration, c'est une communauté variée composée de diverses bactéries qui fait le plus gros du travail à l'étape du traitement biologique dans les boues activées des eaux usées. Les espèces et le nombre de bactéries présentes dans ce microbiome et peuvent varier, par exemple en fonction des saisons ou à cause d'autres facteurs environnementaux. Le cas échéant, de tels changements peuvent avoir pour conséquence d'entraver le processus de traitement, qui ne fonctionne alors plus de manière optimale.

Le décryptage du patrimoine génétique par séquençage de l'ADN permet de déterminer la composition du microbiome. Néanmoins, de telles analyses nécessitaient jusqu'à récemment un certain temps, des laboratoires ultra spécialisés et un équipement onéreux. Mais à présent, une équipe de chercheuses et chercheurs de l'institut de recherche sur l'eau Eawag a réussi à réaliser des analyses ADN directement sur place dans plusieurs stations d'épuration et à obtenir les résultats quelques heures plus tard grâce à de nouveaux appareils de séquençage beaucoup plus petits. Cela permet de prendre des contre-mesures avant même que les changements indésirables du microbiome n'aient un impact négatif sur le processus de traitement. Dans un article qui vient de paraître dans le magazine Aqua & Gas, les chercheuses et chercheurs expliquent la méthodologie testée dans plusieurs stations

d'épuration.



La communauté microbienne dans les boues activées est non seulement d'une composition différente d'une station d'épuration à l'autre, mais aussi entre les différents parcours de traitement d'une même station, comme on le voit ici dans les stations d'épuration de Lucerne, Werdhölzli (Zurich) et Zuchwil. Les couleurs du graphique désignent les différentes souches bactériennes. (Graphique: Robert Niederdorfer/Eawag)

Prendre le contre-pied avant que les problèmes apparaissent

«Nos analyses ont montré que le microbiome est non seulement différent d'une station d'épuration à l'autre, mais aussi entre divers parcours de traitement au sein d'une même station», explique Robert Niederdorfer du département Eaux de surface de l'Eawag. La pertinence d'un seul instantané est donc limitée. Seul un monitoring régulier permet de déterminer la composition du microbiome de la station d'épuration concernée et la manière dont il évolue dans le temps et donc de déceler les modifications atypiques. Les chercheuses et chercheurs ont ainsi pu constater par exemple que les problèmes de décantation des boues activées dans l'une des stations d'épuration étudiées étaient corrélés à la quantité de la bactérie *Ca. Microthrix*. Si un biomonitoring régulier permet de constater une prolifération anormale de cette bactérie, la société exploitant la station d'épuration peut alors stopper sa croissance en ajoutant de l'aluminium et éviter les problèmes de décantation avant qu'ils n'apparaissent.

Dans certains cas, des instantanés isolés du microbiome actuel peuvent fournir des


```
height:20px;color:#f1f1f1}.extbase-debugger-center pre{background-color:transparent;margin:
0;padding:0;border:0;word-wrap:break-word;color:#999}.extbase-debugger-center .extbase-
debug-string{color:#ce9178;white-space:normal}.extbase-debugger-center .extbase-debug-
type{color:#569CD6;padding-right:4px}.extbase-debugger-center .extbase-debug-
unregistered{background-color:#dce1e8}.extbase-debugger-center .extbase-debug-
filtered,.extbase-debugger-center .extbase-debug-proxy,.extbase-debugger-center .extbase-
debug-ptype,.extbase-debugger-center .extbase-debug-visibility,.extbase-debugger-center
.extbase-debug-scope{color:#fff;font-size:10px;line-height:12px;padding:2px 4px;margin-
right:2px;position:relative;top:-1px}.extbase-debugger-center .extbase-debug-
scope{background-color:#497AA2}.extbase-debugger-center .extbase-debug-
ptype{background-color:#698747}.extbase-debugger-center .extbase-debug-
visibility{background-color:#698747}.extbase-debugger-center .extbase-debug-
dirty{background-color:#FFFFB6}.extbase-debugger-center .extbase-debug-
filtered{background-color:#4F4F4F}.extbase-debugger-center .extbase-debug-seeabove{text-
decoration:none;font-style:italic}.extbase-debugger-center .extbase-debug-
property{color:#f1f1f1}.extbase-debugger-center .extbase-debug-
closure{color:#9BA223;}Extbase Variable Dumparray(3 items) publications => '31840' (5
chars) libraryUrl => '' (0 chars) layout => '0' (1 chars) Extbase Variable Dumparray(1 item) 0
=> Snowflake\Publications\Domain\Model\Publicationprototypepersistent entity (uid=31840,
pid=124) originalId => protected31840 (integer) authors => protected'Niederdorfer,&nbsp;R.;
Gruber,&nbsp;W.; Joss,&nbsp;A.; Bürgmann,&nbsp;H.' (73 chars) title =>
protected'MicROcensus: zeitnahe Mikrobiom-Analysen auf ARA' (48 chars) journal =>
protected'Aqua & Gas' (10 chars) year => protected2023 (integer) volume => protected103
(integer) issue => protected'9' (1 chars) startpage => protected'54' (2 chars) otherpage =>
protected'59' (2 chars) categories => protected'' (0 chars) description => protected'Ein
zeitnahes Biomonitoring mit Nanopore-Sequenzierung gewährt neue Einblic
ke in die biologischen Prozesse einer Abwasserreinigungsanlage (ARA). Im Rah
men des Projekts «MicROcensus» wurde an verschiedenen ARA die Einsatzfähi
gkeit solcher Mikrobiom-Analysen als Diagnoseinstrument evaluiert. So unters
tützen Momentaufnahmemessungen die Ursachenfindung von Prozessinstabilität
en und praxisrelevante Daten für den ARA-Betrieb liefern können.' (598 chars)
serialnumber => protected'2235-5197' (9 chars) doi => protected'' (0 chars) uid =>
protected31840 (integer) _localizedUid => protected31840 (integer)modified _languageUid =>
protectedNULL _versionedUid => protected31840 (integer)modified pid => protected124
(integer) Niederdorfer, R.; Gruber, W.; Joss, A.; Bürgmann, H. (2023) MicROcensus: zeitnahe
Mikrobiom-Analysen auf ARA, Aqua & Gas, 103(9), 54-59, Institutional Repository
```

Financement / Coopération

Eawag

Links

[Upwater](#), le nouveau spin-off de l'Eawag, propose des microanalyses pour les stations d'épuration.

Contact



Robert Niederdorfer

Tel. +41 58 765 2215

robert.niederdorfer@eawag.ch



Wenzel Gruber

Tel. +41 58 765 6773

wenzel.gruber@eawag.ch



Claudia Carle

Rédactrice scientifique

Tel. +41 58 765 5946

claudia.carle@eawag.ch

<https://www.eawag.ch/fr/portail/dinfo/actualites/news-archives/detail-de-larchive/un-systeme-dalarme-precoce-pour-les-stations-depuration>